

Relación entre factores ambientales y el rearrreglo génico TEL/AML1 en el desarrollo de la Leucemia aguda infantil

FICHA TÉCNICA DE LA BASE

- 1. Objetivo general del proyecto.** 1) Identificar secuencias genómicas de virus oncogénicos en niños con diagnóstico de novo de LA. 2) Medir la asociación entre estos virus oncogénicos con el rearrreglo génico TEL/AML1 en niños con LAL de células B y entre otros tipos de LA.
- 2. Propósito de la base.** Se utilizó para identificar la asociación clínica entre los virus oncogénicos y el rearrreglo génico TEL-AML1.
- 3. Investigador principal a cargo:** Dr. Juan Carlos Nuñez Enriquez y Janet Flores Lujano
- 4. Recolección de la base de datos.**

Criterios de Inclusión:

1. Paciente de reciente diagnóstico de LAL, confirmado por médula ósea e inmunofenotipo.
2. Pacientes que no hayan recibido previamente un tratamiento antineoplásico.
3. Cualquier edad y sexo.
4. Se les hubiera podido realizar el estudio del rearrreglo génico TEL/AML1.
5. Aceptarán la realización de una entrevista y toma de muestra sanguínea .

Criterios de Exclusión:

1. Niños con diagnóstico de LAL que no se les hubiera podido confirmar el diagnóstico por inmunofenotipo.
2. Niños que no vivían con sus padres biológicos y que estos no puedan ser localizados.

Criterios de Eliminación:

1. Niños que por alguna causa no se hubiera podido obtener el resultado del estudio del rearrreglo génico TEL/AML1.

Periodo de recolección de datos.

Inicio: 1 de Enero 2010

Termino: 31 de Diciembre de 2012

Variables incluidas: 10 variables.

- 5. Estrategia de aseguramiento para la proyección de datos sensibles/personales.**

Se asignó un número de folio a cada participante, no se capturó el nombre del paciente. Ni el lugar de residencia, ni tampoco su número de seguridad social.

- 6. Fecha última de actualización.** 31 de Diciembre de 2012.

- 7. Mencionar el tipo de controles para la validación y verificación de la captura de los datos.** El investigador revisaba la captura de la información hecha por capturistas de forma mensual para revisar la consistencia de captura y la validez de los datos.

8. Otras plataformas donde se encuentren disponibles las bases. Incluir URL.

No aplica.

9. Otras fuentes de Financiamiento. No aplica.

10. Seguimiento de la Cohorte en estudio. Se siguió cada paciente por 12 meses a partir del diagnóstico.

11. Publicaciones.

1. Bekker-Méndez VC, Miranda-Peralta E, Núñez-Enríquez JC, Olarte-Carrillo I, Guerra-Castillo FX, Pompa-Mera EN, Ocaña-Mondragón A, Rangel-López A, Bernáldez-Ríos R, Medina-Sanson A, Jiménez-Hernández E, Amador-Sánchez R, Peñaloza-González JG, de Diego Flores-Chapa J, Fajardo-Gutiérrez A, Flores-Lujano J, Rodríguez-Zepeda Mdel C, Dorantes-Acosta EM, Bolea-Murga V, Núñez-Villegas N, Velázquez-Aviña MM, Torres-Nava JR, Reyes-Zepeda NC, González-Bonilla C, Mejía-Aranguré JM. Prevalence of gene rearrangements in Mexican children with acute lymphoblastic leukemia: a population study-report from the Mexican Interinstitutional Group for the identification of the causes of childhood leukemia. *Biomed Res Int.* 2014;2014:210560. doi: 10.1155/2014/210560. Epub 2014 Jul 17. PMID: 25692130; PMCID: PMC4323064.
2. Morales-Sánchez A, Pompa-Mera EN, Fajardo-Gutiérrez A, Alvarez-Rodríguez FJ, Bekker-Méndez VC, Flores-Chapa Jde D, Flores-Lujano J, Jiménez-Hernández E, Peñaloza-González JG, Rodríguez-Zepeda MC, Torres-Nava JR, Velázquez-Aviña MM, Amador-Sánchez R, Alvarado-Ibarra M, Reyes-Zepeda N, Espinosa-Elizondo RM, Pérez-Saldivar ML, Núñez-Enríquez JC, Mejía-Aranguré JM, Fuentes-Pananá EM. EBV, HCMV, HHV6, and HHV7 screening in bone marrow samples from children with acute lymphoblastic leukemia. *Biomed Res Int.* 2014;2014:548097. doi: 10.1155/2014/548097. Epub 2014 Sep 18. PMID: 25309913; PMCID: PMC4189769.
3. **Otros. Cualquier información extra que sea pertinente precisar o agregar.**
Ninguno